



Honorable Cámara de Diputados
Provincia de Buenos Aires

EXPTE. D- 4781 /20-21



PROYECTO DE DECLARACIÓN

LA HONORABLE CÁMARA DE DIPUTADOS DE LA PROVINCIA DE BUENOS AIRES

DECLARA

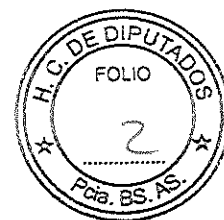
Su beneplácito por el hallazgo de la mutación del coronavirus denominada "S_E484K" realizado por científicos del Proyecto Argentino Interinstitucional de Genómica de SARS-CoV-2 (PAIS), confirmada por el Instituto ANLIS Malbrán (Administración Nacional de Laboratorios e Institutos de Salud) mediante la secuenciación genómica completa.

MARIA LAURA RAMIREZ
Diputada Provincial
H.C. Diputados de la Pcia. Bs. As.



Honorable Cámara de Diputados
Provincia de Buenos Aires

EXPTE. D- 4781 /20-21



FUNDAMENTOS

En el mes de diciembre, nuestro país inició una estrategia de vigilancia genómica activa para detectar las variantes del coronavirus que podrían ser más transmisibles y afectar a la población.

En ese contexto, es que en la última semana, y a partir de un trabajo realizado sobre 144 muestras, se observó la presencia de la mutación S_E484K, que concuerda con otra muestra única hallada en Río de Janeiro

La coordinadora del Laboratorio de Virología Hospital de Niños Ricardo Gutiérrez e investigadora del CONICET, Dra. Mariana Viegas, que forma parte del nodo central del Proyecto Argentino Interinstitucional de Genómica de SARS-CoV-2 (PAIS) informó que se detectó la mutación S_E484K en 5 de 144 muestras de pacientes de Capital, Conurbano y Santa Fe y que "...esa mutación está presente tanto en la variante 501Y.V2 de Sudáfrica y en la variante de Río de Janeiro".

En el transcurso de las últimas horas, el Instituto ANLIS Malbrán (de Administración Nacional de Laboratorios e Institutos de Salud) confirmó la presencia en nuestro país de la nueva variante del Covid-19, luego de la secuenciación del genoma completo de la variante proveniente del linaje B.1.1.28.

Josefina Campos, coordinadora de la Plataforma de Genómica y Bioinformática del Anlis-Malbrán, señaló que "...De los últimos genomas que secuenciamos entre noviembre y diciembre encontramos uno en el que pudimos identificar las seis mutaciones correspondientes a la variante de Río de Janeiro...". También remarcó que más allá de los linajes de los virus que circulen, la clave es que las personas continúen con los cuidados.



Honorable Cámara de Diputados
Provincia de Buenos Aires

EXPTE. D- 4881 /20-21



En el contexto de emergencia sanitaria, los investigadores e investigadoras de nuestro país continúan realizando aportes invaluable para contribuir a resolver la epidemia a nivel nacional y cuidar a todas y todos los argentinos.

El trabajo incansable del capital humano y tecnológico del Conicet, de los y las investigadoras del Proyecto Argentino Interinstitucional de Genómica (PAIS) y del Instituto ANLIS Malbrán, con su desarrollo científico y técnico, permiten monitorear y analizar el movimiento de diferentes enfermedades y sus variantes en la región, contribuyendo para que el Gobierno tome las mejores decisiones para cuidar y mejorar la salud de toda la población.

Por todo lo expuesto, y porque un país que apuesta a su desarrollo tecnológico es un país soberano, solicito a los Sres. y Sras. Legisladores/ras acompañen con su voto la presente iniciativa.

MARIA LAURA RAMIREZ
Diputada Provincial
H.C. Diputados de la Pcia. Bs. As.